



SCOPE – Ein XML-basierter Publikationsservice



Uwe Müller

Humboldt-Universität zu Berlin
Arbeitsgruppe Elektronisches Publizieren
u.mueller@cms.hu-berlin.de

Überblick

- **Dokumenten- und Publikationsserver** an der Humboldt-Universität
- **Warum XML?** Konvertierungstechnologien und Beispiele
- Eine abstrakte Sicht: **Publikationskomponenten**
- **Publikationsprozesse und Workflow**
- **Zusammenfassung** – Welchen Service bietet SCOPE?

Hintergrund

- Humboldt-Universität: 800 – 1.000 Dissertationen / Jahr
~ ¼ der Dissertationen elektronisch veröffentlicht
- Konferenzbände
- Universitätsreihen
- elektronische Zeitschriften

- aktuell: Open-Access-Strategie für die Universität


- XML als zentrale 'Publikationsstrategie'

edoc - Dokumenten- und Publikationsserver der Humboldt-Universität zu Berlin - Mozilla Firefox

File Edit View Go Bookmarks Tools Help

Dokumenten- und Publikationsserver

edoc-server



edoc Suche Projekte Info/Hilfe English

Universitätspublikationen	Abschlussarbeiten
Öffentliche Vorlesungen	Habilitationsschriften
Tagungs- und Konferenzbände	Dissertationen
Studien, Texte und Monographien	Dissertationen aus dem historischen Bestand
Open Access Publikationen	Magister- und Diplom-Arbeiten
Schriftenreihen	Unser Service für
Nestor-Materialien	Autoren
Elektronische Zeitschriften	Promovenden
cms-journal	Habilitanden
Historisches Forum	Aktuelles
Historische Literatur	Print-On-Demand-Service ProPrint
kunsttexte.de	Aktuell
Stochastic Programming E-print Series (SPEPS)	


Leitlinien für den Betrieb des Dokumenten- und Publikationsservers

© Humboldt-Universität zu Berlin • Impressum • edoc@cms.hu-berlin.de • Nutzungsbedingungen • Haftungsausschluss • Statistik

Angebote der HU:

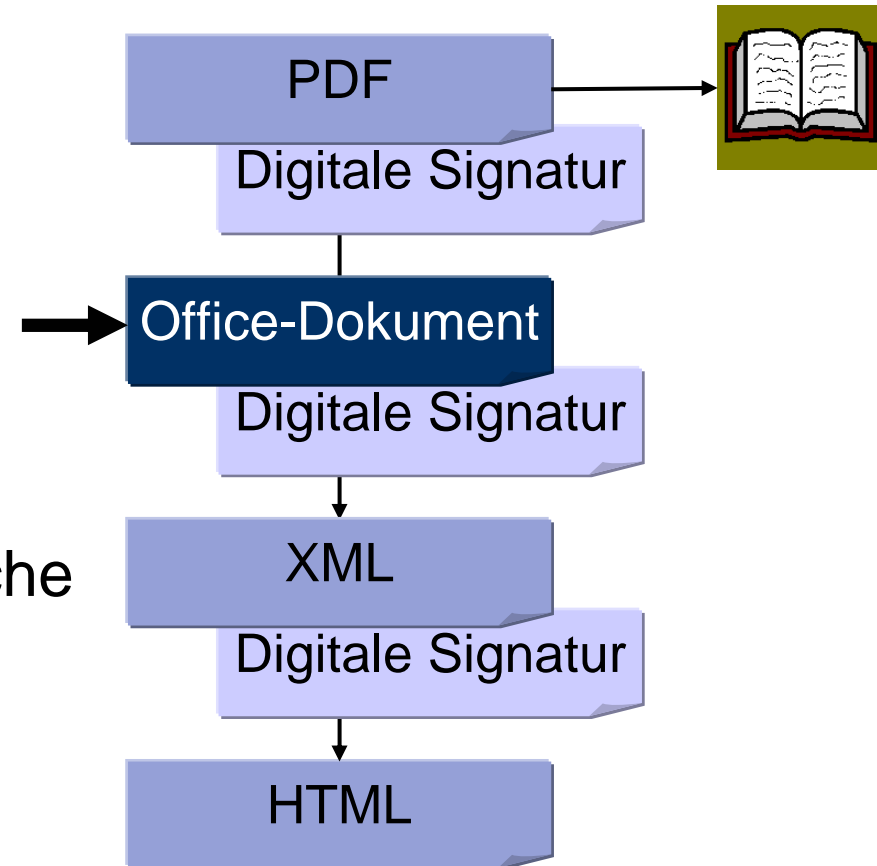
- Digitale Bibliothek
- Elektronische Zeitschriften
- CD-ROM-Angebot
- Medienportal

Humboldt-Universität
Computer- und
Medienservice
Universitätsbibliothek



Warum XML?

- Standardisiertes Format
- Langzeitarchivierung
- konvertierbar in
 - Präsentationsformate (HTML, PDF)
 - andere XML-Strukturen
- qualifizierte Volltextrecherche
- enthält Struktur- und Kontextinformationen – in einem maschinenlesbaren Format



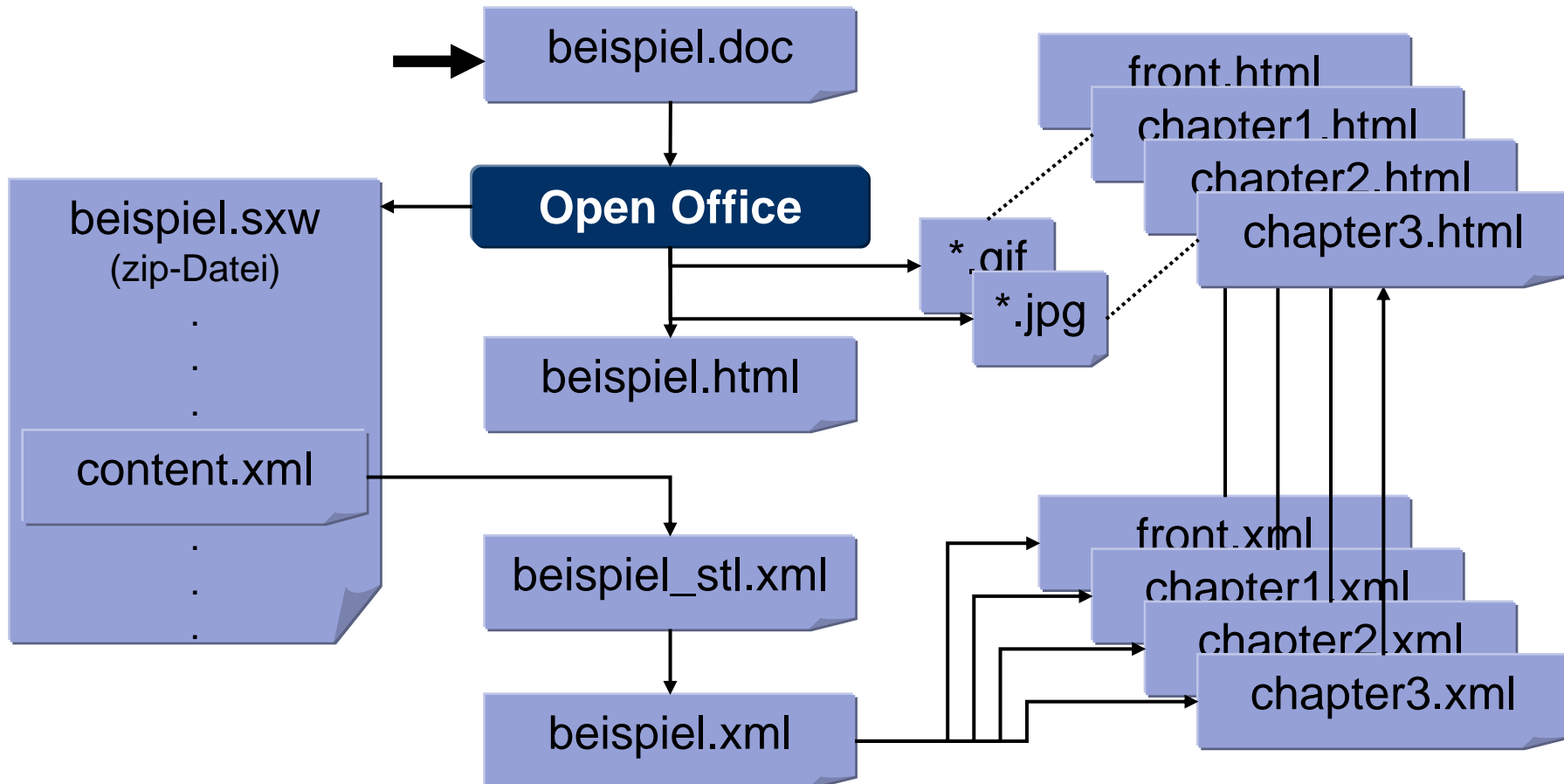
XML: Restriktionen des Ansatzes

- XML-Datei enthält keine Informationen über Layout und Präsentation
- lineare Struktur
- XML wird nicht als Autorensystem verwendet
 - Autoren nutzen ihre 'eigenen' Erstellungssysteme
 - Microsoft Word
 - LaTeX
 - Open Office / Star Office
 - Framemaker
 - Word Perfect

Wie kann die Lücke geschlossen werden?

- Autoren dort abholen, wo sie sind ...
 - Richtlinien und Hinweise für Autoren
 - Nutzung von Dokumentvorlagen (z.B. dissertation-hu.dot)
 - Handbücher, Support (telefonisch und E-Mail), Kurse
- unterschiedliche Konvertierungsmechanismen
 - SGML Author (Plug-In für MS Word <= 97)
 - Open Office / Star Office
 - Nutzung des intern verwendeten XML-Formats
 - MS Office 2003
 - XML entsprechend der DiML-DTD
 - übliche Probleme: Tabellen, Grafiken

Konvertierungsprozess via Open Office



Grundsätzliche Struktur eines DiML-Dokuments

```
<etd>
```

```
  <front>..Titel...Autor...Abstract...</front>
```

```
  <body>
```

```
    <chapter>
```

```
      <section>
```

```
      ...
```

```
    </body>
```

```
  <back>..Bibliografie...Anhänge...Lebenslauf...</back>
```

```
</etd>
```

Generierung der hierarchischen Struktur

- lediglich zwei Typen von Word-Formatvorlagen
 - Absatz-Formatvorlagen
 - Zeichen-Formatvorlagen
- z.B. bei der ersten Verwendung der Absatz-Vorlage *Überschrift 1* muss der Konverter erkennen:
 - *Überschrift 1* leitet ein **chapter** ein
 - *Überschrift 1* impliziert ein **head**-Element
 - das Element **chapter** kann nur im Element **body** auftauchen

```
</front>
```

```
<body>
```

```
  <chapter>
```

```
    <head id="anyID">Einleitung</head>
```

Hajkova.doc - Microsoft Word

Datei Bearbeiten Ansicht Einfügen Format Extras Tabelle Fenster **Dissertation** 2 Adgbe PDF Acrobat-Kommentare

Vorname Times New Roman 12 x_2 x^2 **F** **K** **U**

1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14

DISSERTATION

Epigenetic reprogramming in mouse germ cells

doctorrerumnaturalium

Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I

Mgr. Petra Hajkova

Prof. Dr. Jürgen Mlynek

Prof. Dr. Jörn E. Walter

Prof. Dr. Harald Saumweber

Dokumenttyp

Thema

Erlangung

Fakultät

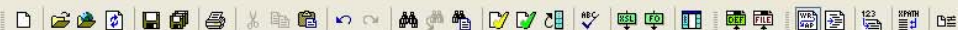
Promovend

Standard

Gutachter

Gutachter

```
XMLSPY - [hajkova_ooo.xml *]
File Edit Project XML DTD/Schema Schema design XSL Authentic Convert View Browser Tools Window Help
<style:style style:name="T70" style:family="text">
  <style:properties fo:text-transform="uppercase" fo:font-size="11pt" style:font-size-asian="11pt"/>
</style:style>
<style:style style:name="fr1" style:family="graphics" style:parent-style-name="Graphics">
  <style:properties fo:margin-left="0cm" fo:margin-right="0cm" style:vertical-pos="top" style:vertical-rel="baseline" fo:padding-left="0.28cm"
fo:padding-right="0.28cm" fo:padding-top="0.153cm" fo:padding-bottom="0.153cm" fo:border="none" style:mirror="none" fo:clip="rect(0cm 0cm
0cm 0cm)" draw:luminance="0%" draw:contrast="0%" draw:red="0%" draw:green="0%" draw:blue="0%" draw:gamma="1" draw:color-
inversion="false" draw:transparency="0%" draw:color-mode="standard"/>
</style:style>
</office:automatic-styles>
<office:body>
  <text:sequence-decls>
    <text:sequence-decl text:display-outline-level="0" text:name="Illustration"/>
    <text:sequence-decl text:display-outline-level="0" text:name="Table"/>
    <text:sequence-decl text:display-outline-level="0" text:name="Text"/>
    <text:sequence-decl text:display-outline-level="0" text:name="Drawing"/>
  </text:sequence-decls>
  <text:p text:style-name="P1">Max-Planck Institut für Molekulare Genetik, Berlin-Dahlem</text:p>
  <text:p text:style-name="P2">Dissertation</text:p>
  <text:p text:style-name="P3">Epigenetic reprogramming in mouse germ cells</text:p>
  <text:p text:style-name="Erlangung">doctorrerurnaturalium</text:p>
  <text:p text:style-name="Fakultät">Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I</text:p>
  <text:p text:style-name="Promovend">Mgr. <text:span text:style-name="Vorname">Petra</text:span>
    <text:span text:style-name="Name">Hajkova</text:span>
  </text:p>
  <text:p text:style-name="P4">Prof. Dr. Jürgen Mlynek</text:p>
  <text:p text:style-name="Gutachter">Prof. Dr. Jörn E. Walter</text:p>
  <text:p text:style-name="Gutachter">Prof. Dr. Harald Saumweber</text:p>
  <text:p text:style-name="Gutachter">Dr. Wolf Reik</text:p>
  <text:p text:style-name="WW-Datum">eingereicht: <text:tab-stop/>
    <text:tab-stop/>
    <text:tab-stop/>3. Mai 2003<text:line-break/>Datum der Promotion: <text:tab-stop/>16. <text:span text:style-name="T1">September 2002
</text:span>
  </text:p>
  <text:p text:style-name="P5"/>
  <text:p text:style-name="P6"/>
  <text:p text:style-name="P5"/>
  <text:p text:style-name="P5"/>
</office:body>
</office:document-styles>
</office:document-content>
</office:document>
Text Grid Schema/WSDL Authentic Browser
hajkova_ooo.xml
XMLSPY v2004 rel. 3 U. Registered to Uwe Mueller (Humboldt University) ©1998-2003 Altova GmbH & Altova, Inc. Ln 1240, Col 3
```



```
<!ENTITY Grafik42 SYSTEM "hajkova_html_5be6a078.gif" NDATA GIF>
<!ENTITY Grafik43 SYSTEM "hajkova_html_m2d2f60de.gif" NDATA GIF>
<!ENTITY Grafik44 SYSTEM "hajkova_html_641d293f.gif" NDATA GIF>
<!ENTITY Grafik45 SYSTEM "hajkova_html_2b15ab80.gif" NDATA GIF>
<!ENTITY Grafik46 SYSTEM "hajkova_html_m7ffeb372.gif" NDATA GIF>
```

]>

<etd lang="en">

<front>

<school>Max-Planck Institut für Molekulare Genetik, Berlin-Dahlem</school>

<submission>Dissertation</submission>

<title>Epigenetic reprogramming in mouse germ cells</title>

<degree>doctorrerurnaturalium</degree>

<major>Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I</major>

<author>Mgr. <given>Petra</given>

<surname>Hajkova</surname>

</author>

<p>Präsident der Humboldt-Universität zu Berlin
Prof. Dr. Jürgen Mlynek</p>

<dean>Dekan der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I
Prof. Dr. Michael Linscheid</dean>

<approvals>

<name>Prof. Dr. Jörn E. Walter</name>

<name>Prof. Dr. Harald Saumweber</name>

<name>Dr. Wolf Reik</name>

</approvals>

<date>eingereicht: 3. Mai 2003</date>

<date>Datum der Promotion: 16. September 2002</date>

<dedication>

<freehead/>

<p>

to my parents

</p>

</dedication>

<abstract lang="de">

<head>Zusammenfassung</head>

<p>Bei Säugerkeimzellen, Zygoten und Embryos in frühen Stadien kommt der epigenetischen Neuprogrammierung eine außergewöhnlich wichtige Rolle in der Regulation der Genomfunktionen in entscheidenden Entwicklungsstadien zu. Die epigenetische Neuprogrammierung in Keimzellen löscht zuerst die Imprinting-Markierungen und Epi-Mutationen und stellt dann geschlechtsspezifische Markierungen (genomische Prägung) wieder her. </p>

<n>Die vorliegende Arbeit bezieht sich auf das Löschen epigenetischer Modifikationen in primordialen Mauskeimzellen (primordial germ

lang	en																					
front																						
	school	Max-Planck Institut für Molekulare Genetik, Berlin-Dahlem																				
	submission	Dissertation																				
	title	Epigenetic reprogramming in mouse germ cells																				
	degree	doctorrerurnaturalium																				
	major	Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I																				
	author																					
		<table border="1"> <tr> <td>Abc Text</td> <td>Mgr.</td> </tr> <tr> <td>given</td> <td>Petra</td> </tr> <tr> <td>surname</td> <td>Hajkova</td> </tr> </table>	Abc Text	Mgr.	given	Petra	surname	Hajkova														
Abc Text	Mgr.																					
given	Petra																					
surname	Hajkova																					
	p																					
	dean																					
	approvals																					
		<table border="1"> <tr> <td>name (3)</td> <td>Abc Text</td> <td></td> </tr> <tr> <td>1</td> <td>Prof. Dr. Jörn E. Walter</td> <td></td> </tr> <tr> <td>2</td> <td>Prof. Dr. Harald Saumweber</td> <td></td> </tr> <tr> <td>3</td> <td>Dr. Wolf Reik</td> <td></td> </tr> </table>	name (3)	Abc Text		1	Prof. Dr. Jörn E. Walter		2	Prof. Dr. Harald Saumweber		3	Dr. Wolf Reik									
name (3)	Abc Text																					
1	Prof. Dr. Jörn E. Walter																					
2	Prof. Dr. Harald Saumweber																					
3	Dr. Wolf Reik																					
	date (2)																					
	dedication																					
	abstract lang=de																					
	keywords lang=de																					
	abstract lang=en																					
	keywords lang=en																					
body																						
	chapter (4)																					
		<table border="1"> <tr> <td></td> <td>head</td> <td>p</td> <td>section</td> </tr> <tr> <td>1</td> <td>Introduction</td> <td></td> <td>section (8)</td> </tr> <tr> <td>2</td> <td>Material & Methods</td> <td></td> <td>section (2)</td> </tr> <tr> <td>3</td> <td>Results</td> <td>p</td> <td>section (9)</td> </tr> <tr> <td>4</td> <td>Discussion</td> <td></td> <td>section (12)</td> </tr> </table>		head	p	section	1	Introduction		section (8)	2	Material & Methods		section (2)	3	Results	p	section (9)	4	Discussion		section (12)
	head	p	section																			
1	Introduction		section (8)																			
2	Material & Methods		section (2)																			
3	Results	p	section (9)																			
4	Discussion		section (12)																			
	back																					



Dissertation

Epigenetic reprogramming in mouse

doctorrerumnaturalium

Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät

Mgr. Petra Hajkova

Präsident der Humboldt-Universität zu Berlin
Prof. Dr. Jürgen Mlynek

Dekan: Dekan der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät I
Prof. Dr. Michael Linscheid

Gutachter:

1. Prof. Dr. Jörn E. Walter
2. Prof. Dr. Harald Saumweber
3. Dr. Wolf Reik

eingereicht: 3. Mai 2003

Datum der Promotion: 16. September 2002

Dedication:

to my parents

Zusammenfassung

Bei Säugerkeimzellen, Zygoten und Embryos in frühen Stadien kommt der Neuprogrammierung eine außergewöhnlich wichtige Rolle in der Regulation entscheidender Entwicklungsstadien zu. Die epigenetische Neuprogrammierung löscht zuerst die Imprinting-Markierungen und Epi-Mutationen und stellt die geschlechtsspezifische Markierungen (genomische Prägung) wieder her.

Die vorliegende Arbeit bezieht sich auf das Löschen epigenetischer Modifi-

Summary

Epigenetic reprogramming in mammalian germ cells, zygote and early embryos, plays a crucial role in regulating genome functions at critical stages of development. Germ line epigenetic reprogramming assures erasure of all the imprinting marks and epi-mutations and establishment of new sex-specific gametic imprints. The presented work focuses on the erasure of epigenetic modifications that occur in mouse primordial germ cells (PGCs) between day 10.5 to 13.5 post coitum (dpc).

Contrary to previous assumptions, our results show that as they enter the genital ridge the PGCs still possess DNA methylation marks comparable to those found in somatic cells. Shortly after the entry of PGCs into the gonadal anlagen the DNA methylation marks associated with imprinted and non-imprinted genes are erased. For most genes the erasure commences simultaneously in PGCs of both male and female embryos and is completed within only one day of development. The kinetics of this process indicates that is an active demethylation process initiated by a somatic signal emanating from the stroma of the genital ridge. The timing of reprogramming in PGCs is crucial since it ensures that germ cells of both sexes acquire an equivalent epigenetic state prior to the differentiation of the definitive male and female germ cells in which, new parental imprints are established subsequently.

Complete understanding of the germline reprogramming processes is important not only in the light of genomic imprinting but also for resolving other mechanisms connected with restoring cellular totipotency, such as cloning and stem cell derivation.

Keywords: epigenetics, reprogramming, DNA methylation, imprinting, DNA demethylation, germ cells, gametogenesis

Table of contents

- ◆ [1](#). Introduction
 - ◇ [1.1](#). Brief history of DNA methylation
 - ◇ [1.2](#). Genomic imprinting and its connection to DNA methylation
 - ◇ [1.3](#). The "life cycle" of imprinting in the mammalian development
 - ◇ [1.4](#). Imprinting and methylation changes during early embryogenesis
 - ◇ [1.5](#). Germ line and its key role in the epigenetic "life cycle"
 - ◇ [1.6](#). Biological studies of primordial germ cells – origin, characteristics, development
 - [1.6.1](#). Origin of primordial germ cells
 - [1.6.2](#). Germ cells migration and colonisation of the embryonic genital ridges
 - [1.6.3](#). Gametogenesis inside the developing gonads
 - [1.6.4](#). Brief summary of spermatogenesis
 - [1.6.5](#). Brief summary of oogenesis

Konferenzbeitrag

Autor(en): Eva Müller; Stefan Andersson; Uwe Klosa; Peter Hansson

Titel: Metadata workflow based on reusing of original data

Erscheinungsdatum: 24.05.2003

Erschienen in: Proceedings of the Sixth International Symposium on Electronic Theses and Dissertations (ETD2003)
20.05.2003 - 24.05.2003
Humboldt-Universität zu Berlin

Herausgeber: Peter Schirnbacher

Formate: html (urn:nbn:de:kobv:11-100305)
pdf (urn:nbn:de:kobv:11-100318)

Einrichtung: Humboldt-Universität zu Berlin

print on demand:



Abstract (eng):

The goal of the DiVA project is to develop a workflow where information from the original document created by the author can be reused to extract metadata for various purposes. Submission of item & creation of metadata There are two ways to submit an item and store the metadata in the system. 1. using a template (MS Word, Open Office, Star Office, LaTeX) 2. updating through the DiVA update. In both cases metadata are converted to XML in the DiVA XML:schema format and stored in the system. Dissemination Metadata can be generated from DiVA XML-Schema in many different formats: currently in Dublin Core(HTML-text and XML-RDF), TEI-Header, Endnote and Reference Manager, and MARC 21. All records are also exposed in unqualified Dublin Core to support harvesting by OAI-PMH service providers. Library systems A workflow has been created wherein the database record , originally created by the author, forms the basis for the bibliographical description of that record in the Swedish National Library system as well as the local system at Uppsala University Library. The record is harvested in MARC-XML format by the Royal Library in Stockholm and converted to MARC 21 "tape format" for import into the national library system and, after adding local information such as holdings, exported to the local system. Records can also be downloaded directly from the DiVA web site in MARC 21 "tape format" (ISO 2709), as well as MARC-XML format, for use in local library systems. Metadata for Uniform Resource Name National Bibliographic Number (URN:NBN) & Long-term Preservation Each item in the archive is assigned a unique, persistent National Bibliographic Number and Uniform Resource Name. After the URN:NBN is assigned, a record is created for harvesting by a resolver service. In addition to the delivery of metadata to the National Library, full-text files (currently PDF format with a DiVA XML-Schema file containing all archiving metadata) will also be delivered to support long-term preservation. A checksum will be computed independently for each document in both the Royal Library and DiVA archives.

Generiert am 12.04.2005, 10:03:28

Eva Müller, Stefan Andersson, Uwe Klosa, Peter Hansson: Metadata Workflow Based on Reuse of Original Data

[\[Front page\]](#) [\[Preface\]](#) [\[1\]](#) [\[2\]](#) [\[3\]](#) [\[4\]](#) [\[5\]](#) [\[6\]](#) [\[Appendix\]](#)

Metadata Workflow Based on Reuse of Original Data

Eva Müller
Stefan Andersson
Uwe Klosa
Peter Hansson

Electronic Publishing Centre, Uppsala University Library

epub@ub.uu.se

Uppsala University Library, Box 510, SE-751 20 Uppsala, Sweden

publications.uu.se/

Keywords:

Metadata, XML Schema, Library catalogues, MARC 21

Abstract

The goal of the DiVA project is to develop a workflow where information from the original document created by the author can be reused to extract metadata for various purposes.

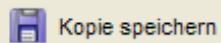
There are two ways to submit an item and store the metadata in the system:

1. using a template (MS Word, Open Office, Star Office, LaTeX)
2. updating through the DiVA Manager application

In both cases metadata are converted to XML in the DiVA Document Format and stored in the DiVA system.

Metadata can be generated from the DiVA Document Format in many different formats: currently in Dublin Core (HTML-text and XML-RDF), TEI-Header, Endnote and Reference Manager, and MARC 21. All records are also presented in unqualified Dublin Core and MARC XML to support harvesting by OAI-PMH service providers.

A workflow has been created where the information, originally created by the author, forms the basis for the bibliographical description



Kopie speichern



Drucken



E-Mail



Suchen



ABC



Überprüfen und kommentieren



Unterschreiben



Textauswahl



111%

Lesezeichen

Unterschriften

Ebenen

Seiten

Kommentare

Metadata Workflow Based on Reuse of Original Data

Eva Müller

Stefan Andersson

Uwe Klosa

Peter Hansson

Electronic Publishing Centre, Uppsala University Library

epub@ub.uu.se

Uppsala University Library, Box 510, SE-751 20 Uppsala, Sweden

publications.uu.se/

Keywords: Metadata, XML Schema, Library catalogues, MARC 21

Abstract

The goal of the DiVA project is to develop a workflow where information from the original document created by the author can be reused to extract metadata for various purposes.

There are two ways to submit an item and store the metadata in the SYSTEM:

- 1. using a template (MS Word, Open Office, Star Office, LaTeX)*
- 2. updating through the DiVA Manager application*

In both cases metadata are converted to XML in the DiVA Document Format and stored in the DiVA SYSTEM.

Metadata can be generated from the DiVA Document Format in

tabase containing theses published at Uppsala University from 1998 to date.

In September 2000 an Electronic Publishing Centre was established at Uppsala University Library. Its primary assignment was a project in which technical solutions, and a well-functioning workflow, for electronic posting and full-text publication of doctoral theses, essays, working papers and other types of scientific publications were to be created.

The first phase of the project was completed in 2002 and the result was the DiVA Publishing System - a SYS-

Ein Kern – Unterschiedliche Präsentationen

- HTML-Generierung (statisch oder dynamisch)
 - Performance-Schwierigkeiten bei XSLT und sehr großen Dokumenten
 - Lösung: Aufteilung der XML-Quellen in kleinere Komponenten (einfacher und schneller zu verarbeiten)
- PDF + *Print on Demand* (<http://www.proprint-service.de>)
- Gegenwärtige Probleme:
 - wechselnde Office-Systeme und -Versionen
 - weiterhin Implementierungs- und Anpassungsaufwand
 - aber: zukünftig auf XSLT-Programmierung beschränkt

XML-basiertes Publizieren

charakterisiert durch

- komplexe Prozesse und Workflows
- viele abhängige Werkzeuge und manuelle Arbeitsschritte
- relativ hoher menschlicher Aufwand notwendig
- unterschiedliche Prozesse für unterschiedliche Publikationen, aber: viele identische Arbeitsschritte und Eigenschaften
- weiterhin Implementationsaufwand – neue Versionen
- Zentrale Idee:
 1. Abstraktion von konkreten Prozessbeschreibungen
 2. Implementierung eines integrierten Workflowsystems

SCOPE

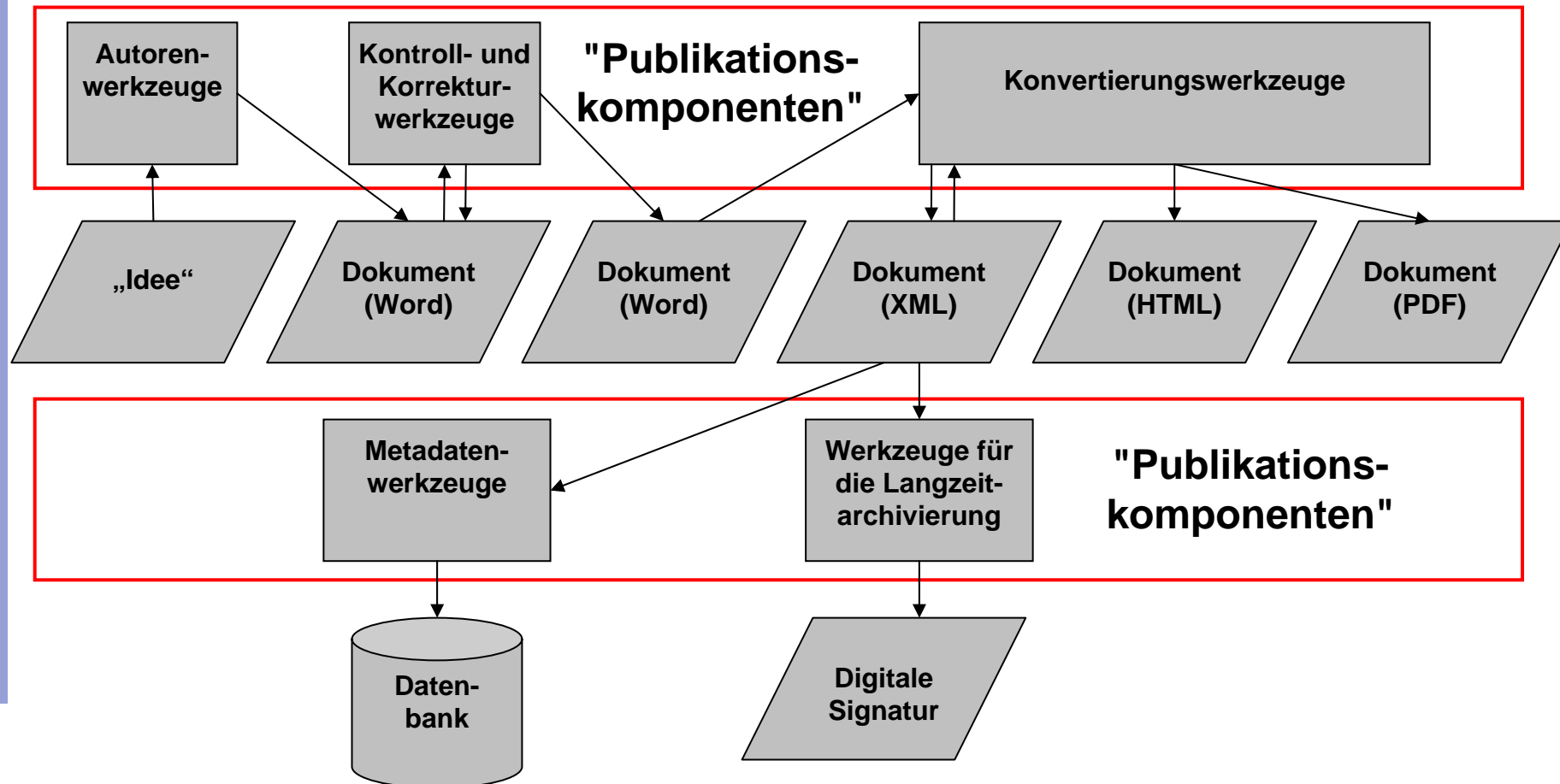
Service
Core for
Open
Publishing
Environments

- Unterstützung für Autoren und Herausgeber
- integrierte Publikationsplattform
- XML-basiert
- zielt auf *technologischen* Aspekt des Publikationsprozesses ab
- Management für Werkzeuge
- Plattform für verteiltes Publizieren
- generisches Framework für unterschiedliche Publikationsprozesse

SCOPE: Ziele

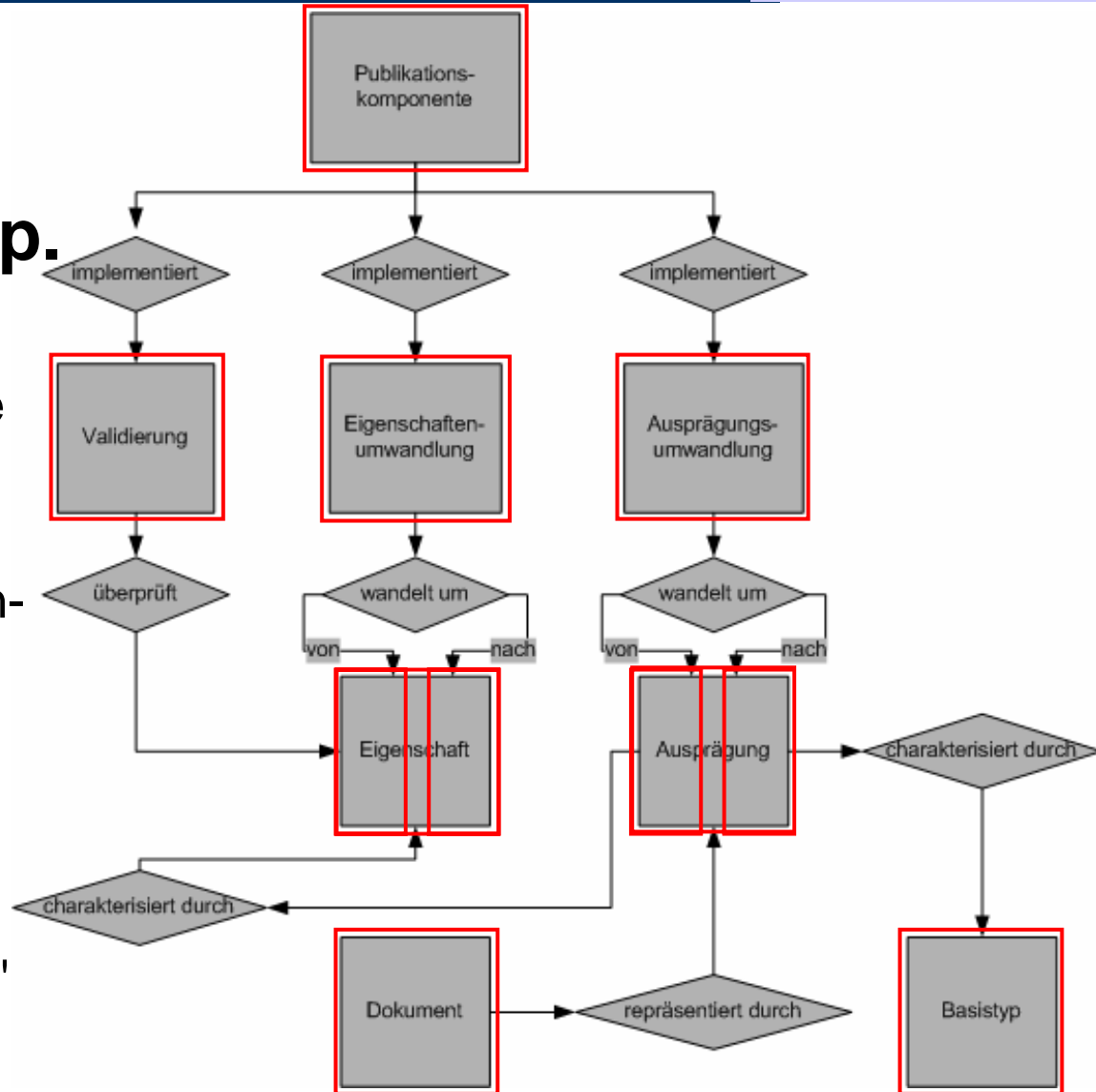
- elementare **Publikationskomponenten** (Dokumentenmodelle, Autorenwerkzeuge, Konvertierungsskripts, Digitale Signaturen ...)
- **Managementsystem** – Organisation und Administration der Publikationskomponenten
 - Modellierung von Relationen und Abhängigkeiten
 - Versionsmanagement
- **Publikationssystem**
 - Verwaltung und Speicherung von Publikationen
- **Workflowsystem**
 - Modellierung wiederkehrender Prozesse (technische Kontrolle, Konvertierungsprozesse, Begutachtung, Konferenzorganisation ...)

Was sind Publikationskomponenten?



Dokumente und Publikationskomp.

- Dokumente können durch unterschiedliche Formate repräsentiert werden
- Publikationskomponenten können Formate ineinander überführen und Eigenschaften ändern
- automatische und manuelle "Werkzeuge"



Publikationskomponenten

Haupteigenschaften (Metadaten)

- Quellausprägung (Basistyp + Eigenschaften) bzw. Eigenschaft
- Zielausprägung (Basistyp + Eigenschaften) bzw. Eigenschaft
- Parameter
- notwendige Umgebung / Schnittstellen
- Module / verwendete Dateien

Beispiele:

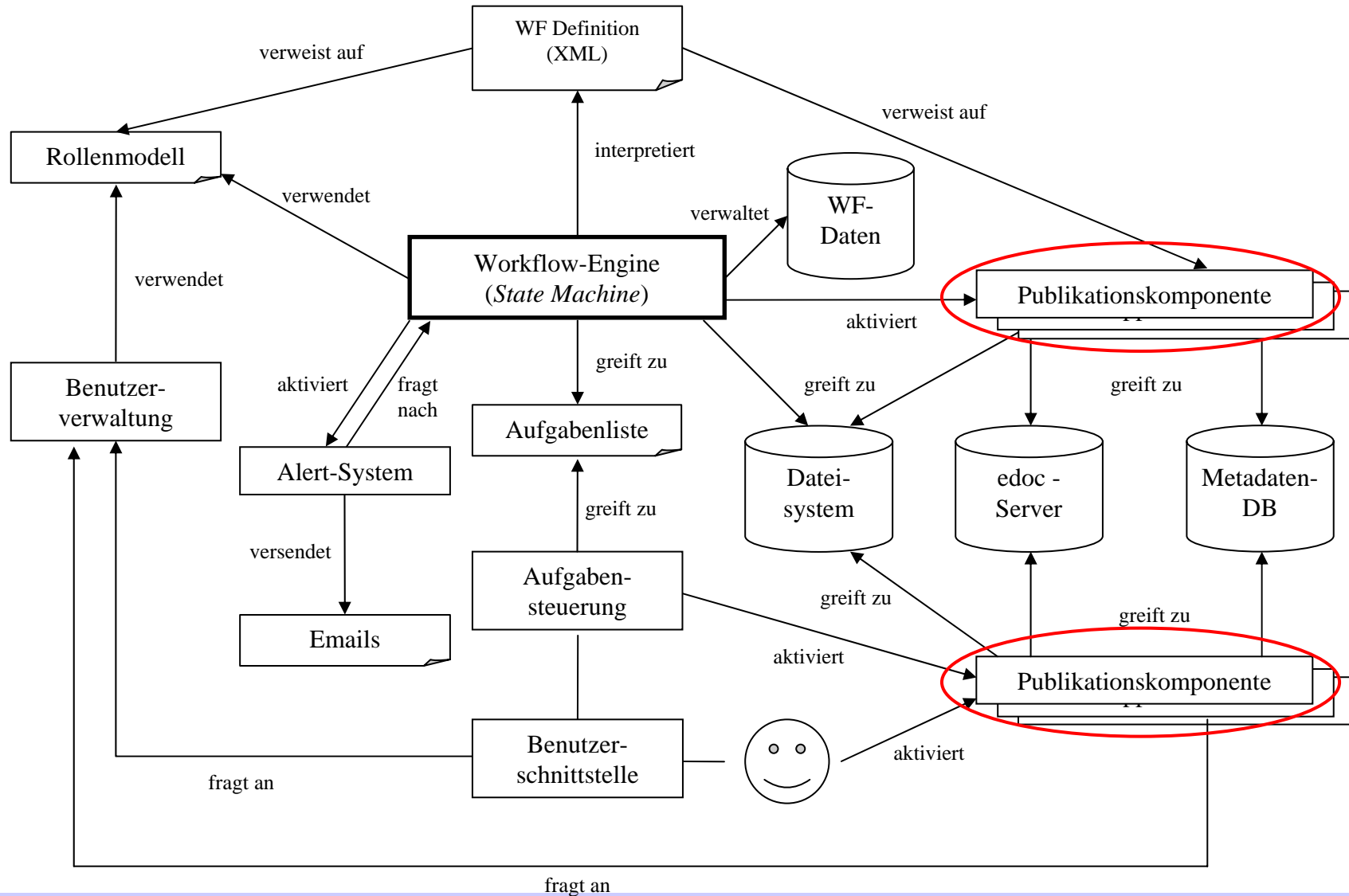
- Autorenwerkzeuge, Konvertierungsskripts, Word-Makros, XSLT-Skripts, PDF-Checker, ...

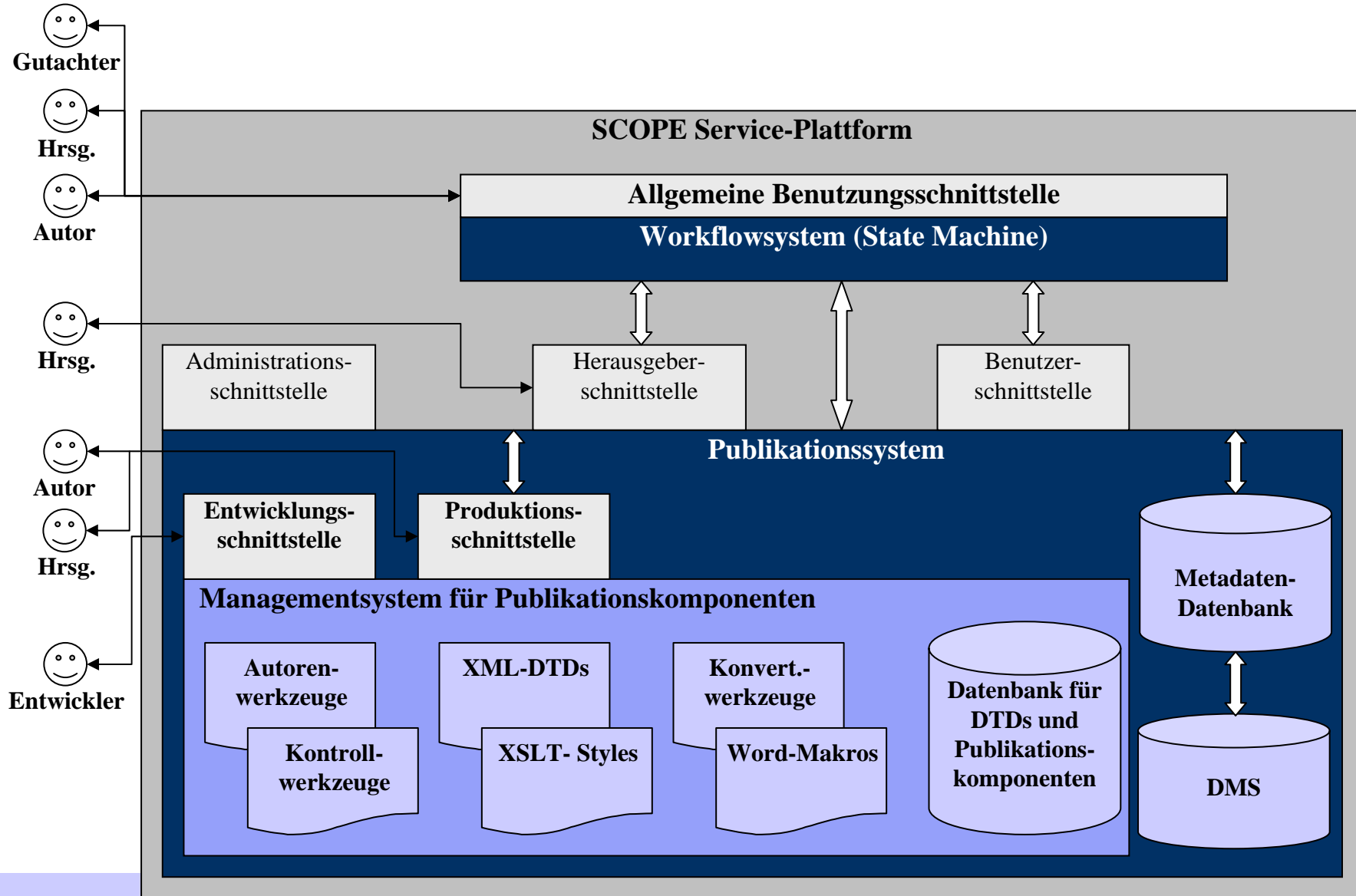
Managementsystem zum Erfassen von Publikationskomponenten
und deren Metadaten (CVS-basiert)

Publikationsprozess

Formales Prozessmodell

- erstellt mithilfe des Managementsystems für Publikationskomponenten (Anfragen an die Datenbank ...)
- realisiert und überwacht durch das Workflowsystem
 - abstrakte Statusmaschine
 - Publikationskomponenten: atomare Aktionen
 - Integration externer Workflowkomponenten (z.B. GAPWorks)
- webbasiert – verteilter Zugriff





SCOPE – Service

Unterstützung für Autoren und Herausgeber

- Werkzeuge, individuelle Anpassungen, Beratung

Hosting – zentralisierte Technologie für verteiltes Publizieren

- Einrichtungen innerhalb der Universität
- Forschungseinrichtungen (Wissenschaftsstandort Adlershof)
- kleinere Universitäten und Fachhochschulen
- unter anderem: einzelne Publikationsserien, Technical Reports ...

Technologietransfer

- Publikationskomponenten
- Publikationssystem: Modulare Struktur, z. T.: HU-spezifisch

Thank you

Fragen?

u.mueller@cms.hu-berlin.de

<http://edoc.hu-berlin.de/>

unterstützt durch:

Deutsche
Forschungsgemeinschaft

DFG